

Programmation dynamique

INFORMATIQUE COMMUNE - TP n° 3.2 - Olivier Reynet

À la fin de ce chapitre, je sais :

- ☞ cerner les limitations des algorithmes gloutons dans certaines situations
- ☞ justifier l'optimalité d'une sous-structure d'un problème en programmation dynamique
- ☞ coder de bas en haut une problème en programmation dynamique
- ☞ utiliser la mémoïsation et un dictionnaire pour pallier l'inefficacité de l'approche récursive

A Le sac à dos est de retour

On cherche à remplir un sac à dos. Chaque objet que l'on peut insérer dans le sac est **insécable**¹ et possède une valeur et un poids connus. On cherche à maximiser la valeur totale emportée dans la sac à dos tout en limitant² le poids à π .

Soit un ensemble $\mathcal{O}_n = \{o_1, o_2, \dots, o_n\}$ de n objets de valeurs v_1, v_2, \dots, v_n et de poids respectifs p_1, p_2, \dots, p_n . Soit un sac à dos n'admettant pas un poids emporté supérieur à π . On note également qu'on peut mettre au plus n objets dans le sac.

Les objets sont rangés dans une liste et dans un ordre quelconque. Ils sont indicés par i variant de 1 à n . Un objet o_i possède une valeur v_i et un pèse p_i .

Avec ces notations, on peut formuler le problème du sac à dos comme suit.

■ **Définition 1 — Problème du sac à dos.** Comment remplir un sac à dos en maximisant la valeur totale emportée V tout en ne dépassant pas le poids maximal π admissible par le sac à dos.

Formellement, comment maximiser $V = \sum_{o_i \in B} v_i$ en respectant la contrainte $\sum_{o_i \in B} p_i \leq \pi$ où B est l'ensemble des objets emportés dans le sac?

On note^a le problème du sac à dos KP(n, π) et une solution optimale à ce problème $S(n, \pi)$.

a. en anglais, ce problème est nommé Knapsack Problem, d'où le KP.

On dispose d'une collection d'objets $o = (\text{valeur}, \text{poids})$:

OBJETS = ((100, 40), (700, 15), (500, 2), (400, 9), (300, 18), (200, 2))

A1. Pour une poids maximal admissible de 11 kg, quel peut-être un chargement optimal du sac à dos?

Solution : On peut mettre au maximum pour une valeur de 900, en prenant le quatrième et le troisième objet (9+2 = 11).

1. Soit on le met dans le sac, soit on ne le met pas. Mais on ne peut pas en mettre qu'une partie.
2. On accepte un poids total inférieur ou égal à π .

- A2. Pour le problème $KP(n, \pi)$, implémenter un algorithme de résolution glouton. Quelle est la complexité de votre fonction?

Solution : La complexité est en $O(n \log n + n)$ si on compte le tri de la liste en $O(n \log n)$ Sinon, la complexité est linéaire. Ce qui est bien, mais cette algorithme ne trouve pas toujours la solution optimale.

```
OBJETS = ((100, 40), (700, 15), (500, 2), (400, 9), (300, 18), (200, 2))

def greedy_kp(n, pmax):
    poids = 0 # poids total du sac
    valeur = 0 # valeur total du sac
    sac = [] # contenu du sac
    objets = sorted(list(OBJETS)) # tri ascendant
    while len(objets) > 0 and poids <= pmax:
        v, p = objets.pop() # choix glouton : la valeur la plus grande
        if poids + p <= pmax: # l'objet peut-il entrer dans le sac
            sac.append((v, p))
            poids += p
            valeur += v
    return sac, poids, valeur

print(greedy_kp(6, 15))
print(greedy_kp(6, 11))
```

- A3. Le problème du sac à dos est-il à sous-structure optimale?

Solution : Oui, car on peut exprimer une solution optimale au problème en fonction des solutions optimales des sous-problèmes.

$$S(n, \pi) = \begin{cases} 0 & \text{si } n = 0 \text{ ou si } \pi = 0 \\ \max(v_n + S(n-1, \pi - p_n), S(n-1, \pi)) & \text{si } p_n \leq \pi \\ S(n-1, \pi) & \text{sinon} \end{cases} \quad (1)$$

- A4. En utilisant la programmation dynamique de bas en haut, coder la résolution du problème $KP(n, \pi)$. Quel est la complexité de votre fonction?

Solution : La complexité est en $O(n \times pmax)$ car la première boucle effectue n itérations et la seconde pmax.

```
import numpy as np

OBJETS = ((100, 40), (700, 15), (500, 2), (400, 9), (300, 18), (200, 2))

def kp_dp(n, pmax):
    s = np.zeros((n + 1, pmax + 1))
    for i in range(n + 1):
        for p in range(pmax + 1):
            vi, pi = OBJETS[i - 1]
```

```

        if i == 0:
            s[i, p] = 0 # pas d'objet pas de solution
        elif pi == 0: # 0 kg, une solution : ne prendre aucun objet
            s[i, p] = 0
        elif pi <= p:
            s[i, p] = max(vi + s[i - 1, p - pi], s[i - 1, p])
        else:
            s[i, p] = s[i - 1, p]
    return s[n][pmax]

print(kp_dp(6, 15))
print(kp_dp(6, 11))

```

A5. En utilisant la programmation dynamique récursive, coder la résolution du problème KP(n, π). On cherchera à ne pas recalculer plusieurs fois les mêmes sous-problèmes.

Solution :

```

OBJETS = ((100, 40), (700, 15), (500, 2), (400, 9), (300, 18), (200, 2))

def kp_rec(n, pmax):
    if n == 0 or pmax == 0:
        return 0
    else:
        v, p = OBJETS[n - 1]
        if p > pmax:
            return kp_rec(n - 1, pmax)
        else:
            return max(v + kp_rec(n - 1, pmax - p), kp_rec(n - 1, pmax))

def kp_mem(n, pmax, S): # memoisation
    if (n, pmax) in S: # déjà mémorisé
        return S[(n, pmax)]
    elif n == 0 or pmax == 0:
        return 0
    else:
        v, p = OBJETS[n - 1]
        if p > pmax:
            S[(n, pmax)] = kp_mem(n - 1, pmax, S)
            return S[(n, pmax)]
        else:
            S[(n, pmax)] = max(v + kp_mem(n - 1, pmax - p, S),
                               kp_mem(n - 1, pmax, S))
            return S[(n, pmax)]

print(kp_rec(6, 15))
print(kp_rec(6, 11))
print(kp_mem(6, 15, {}))
print(kp_mem(6, 11, {}))

```

B Rendu de monnaie

Un commerçant doit à rendre la monnaie à un client³. La somme à rendre est une somme entière P et le commerçant cherche à utiliser le moins de pièces possibles. On considère qu'il dispose d'autant de pièces qu'il le souhaite parmi un système monétaire $M = \{m_1, m_2, \dots, m_n\}$ qui possède n valeurs différentes.

On nomme ce problème le rendu de monnaie⁴ et on note $CCP(M, i, P)$ le problème où il s'agit de rendre la monnaie P à l'aide des i premières pièces du système M . On note $S(i, P)$ une solution optimale au problème $CCP(M, i, P)$, c'est à dire une solution qui nécessite **le moins de pièces possibles**.

B1. On considère les systèmes monétaires $M_c = (5, 1, 2)$ et $M = (4, 1, 3)$. Rendre la monnaie de manière optimale sur 10 et 6 avec chaque système.

Solution : On note les résultats sous la forme d'une liste de couple représentant la valeur de la pièce et le nombre d'occurrences : [(valeur, nombre)].

- 10 : M_c : [(5, 2)] M : [(3, 2), (2, 1)]
- 6 : M_c : [(2, 2), (1, 1)] M : [(3, 2)]

B2. Résoudre le problème $CCP(M, n, P)$ en implémentant un algorithme glouton. Tester l'algorithme sur les systèmes M_c et M . Que constatez-vous?

Solution : Cet algorithme glouton est optimal avec M_c mais pas avec M . Par exemple, pour 6 avec M , l'algorithme glouton trouve [(4, 2), (1, 2)], ce qui n'est pas l'optimal puisqu'il faut trois pièces alors qu'on peut le faire avec deux seulement.

```
# PIECES = (5, 1, 2)
PIECES = (4, 1, 3)

def greedy_ccp(prix):
    solution = {}
    nb_de_pieces = 0
    pieces = sorted(list(PIECES))
    while len(pieces) > 0 and not prix == 0:
        m = pieces.pop() # on prend la valeur la plus grande
        n = prix // m # combien de fois ?
        if n > 0:
            solution[m] = n
            prix = prix - n * m # continue...
            nb_de_pieces += n
    if prix == 0: # success
        return [nb_de_pieces, solution]
    else:
        return None # no solution

def greedy_rec_ccp(pieces, prix, solution):
    if prix == 0:
```

3. Mais on pourrait considérer d'autres problèmes qui se résoudraient de la même manière. Par exemple, le remplissage d'un conteneur dont le volume total est V à l'aide d'objets de volume v_1, v_2, \dots, v_n . On dispose d'autant d'objets que l'on veut pour compléter le conteneur mais on souhaite en charger le moins possible.

4. En anglais Coin Change Problem.

```

    return solution
elif len(pieces) == 0:
    return solution
else:
    m = pieces.pop() # la plus grande valeur
    n = prix // m #
    if n > 0:
        solution[m] = n
    return greedy_rec_ccp(pieces, prix - n * m, solution) # continue...

```

B3. Le problème du rendu de monnaie est-il à sous-structure optimale? Pourquoi?

Solution : Oui, car on peut exprimer une solution optimale du problème en fonction des solutions optimales des sous-problèmes.

$$S(i, \pi) = \begin{cases} 0 & \text{si } \pi = 0 \quad \text{Il suffit de rendre zéro pièces.} \\ \infty & \text{si } i = 0 \quad \text{Il n'y pas de solution, coût max.} \\ \min(1 + S(i, \pi - m_i), S(i - 1, \pi)) & \text{si } m_i \leq \pi \\ S(i - 1, \pi) & \text{sinon} \end{cases} \quad (2)$$

B4. En utilisant la programmation dynamique et un tableau, coder la résolution du problème CCP(M, n, P) de bas en haut. On utilisera un dictionnaire pour mémoriser la liste des pièces nécessaires.

Solution :

```

import math

# PIECES = (5, 1, 2)
PIECES = (4, 1, 3)

def dp_ite_ccp(n, prix):
    S = [[0, {}] for i in range(prix + 1)] for i in range(n + 1)]
    # On cherche à connaître la solution optimale ET le détail de la
    # répartition des pièces
    for p in range(0, prix + 1): # pas de pièces, pas de solution
        S[0][p][0] = math.inf # inf permet d'utiliser la fonction min, None
        # ne le permet pas

    for p in range(1, prix + 1):
        for i in range(1, n + 1):
            mi = PIECES[i - 1]
            if mi <= p:
                a = 1 + S[i][p - mi][0] # with
                b = S[i - 1][p][0] # without
                S[i][p][0] = min(a, b)
                if a <= b: # mis à jour
                    S[i][p][1] = S[i][p][1] | S[i][p - mi][1]

```

```

        if mi in S[i][p][1]:
            S[i][p][1][mi] += 1
        else:
            S[i][p][1][mi] = 1
    else:
        S[i][p][1] = S[i][p][1] | S[i - 1][p][1]
else:
    S[i][p] = S[i - 1][p]
return S[n][prix]

```

B5. En comparant les deux stratégies précédentes, identifier les cas pour lesquels l'algorithme glouton n'est pas optimal pour les systèmes monétaires M et M_c définis plus haut.

C Distance d'édition

Les séquences de caractères peuvent encoder de nombreuses informations de nature différente, par exemple du texte, de la voix ou des séquences ADN. L'alignement de deux chaînes des caractères consiste à comparer deux séquences de caractères afin d'évaluer la similarité entre les deux.

La distance d'édition ou distance de Levenshtein est une mesure de la similarité entre deux chaînes de caractères. Cette distance est le nombre minimal de caractères qu'il faut supprimer, insérer ou substituer pour passer d'une chaîne à l'autre.

■ **Définition 2 — Distance d'édition.** Soit a et b deux chaînes de caractères. On note $|a|$ le cardinal de a , c'est-à-dire le nombre de caractères de la chaîne. $a[-1]$ désigne le dernier caractère de la chaîne a . On dénote par $a[:-1]$ la chaîne a tronquée de son dernier caractère.

On suppose que :

- supprimer un caractère,
- insérer un caractère,
- substituer un caractère,

sont des opérations qui ont toute un coût **unitaire (1)**. Si le caractère est identique, la substitution ne coûte rien (0).

La distance d'édition est définition par induction de la manière suivante :

$$d_e(a, b) = \begin{cases} \max(|a|, |b|) & \text{si } \min(|a|, |b|) = 0 \\ d(a[:-1], b[:-1]) & \text{si } a[-1] = b[-1] \\ 1 + \min \begin{cases} d(a[:-1], b) \\ d(a, b[:-1]) \\ d(a[:-1], b[:-1]) \end{cases} & \text{sinon} \end{cases} \quad (3)$$

On souhaite calculer la distance d'édition en programmant dynamiquement par le bas en utilisant un tableau S . Chaque case du tableau S contient la distance entre la chaîne constituée des i premiers caractères de a et la chaîne constituée des j premiers caractères de b . contenant les distances, il est utile

d'exprimer le résultat d'une case en fonction de celles dont elle dépend dans le schéma dynamique :

$$S[i, j] = \begin{cases} \max(i, j) & \text{si } \min(i, j) = 0 \\ S[i-1, j-1] & \text{si } a[i-1] = b[j-1], \text{ les caractères sont les mêmes} \\ 1 + \min(S[i-1, j], S[i, j-1], S[i-1, j-1]) & \text{sinon} \end{cases} \quad (4)$$

C1. La distance d'édition de "chien" à "niche" vaut 4. Expliquer pourquoi.

Solution : On écrit chien et niche l'un au dessous de l'autre. On opère sur "niche" : deux suppressions (n et i), deux substitutions (c et h), une insertion (i), une substitution (e) et une insertion (n). Comme les deux premières substitutions sont des correspondances (ce sont les mêmes lettres), elles ne coûtent rien. Donc la distance d'édition de ces deux mots vaut 4.

C2. La distance d'édition représente-t-elle un problème à sous-structure optimale? Pourquoi?

Solution : Oui car on arrive à exprimer une solution optimale en fonction des solutions optimales des sous-problèmes.

C3. On souhaite utiliser la programmation dynamique. Compléter à la main et de bas en haut le tableau associé à la distance d'édition de "chien" à "niche".

Solution : On note :

- x pour suppression, déplacement horizontal,
- s pour substitution, déplacement en diagonal,
- i pour insertion, déplacement vertical.

j \ i	0	1,n	2,i	3,c	4,h	5,e
5,n	5	4	4	4	4	4i
4,e	4	4	3	3	4	3s
3,i	3	3	2	3	3i	3
2,h	2	2	2	3	2s	3
1,c	1	1	2	2s	3	4
0	0	1x	2x	3	4	5

C4. Écrire un code qui calcule la distance d'édition de deux chaînes de caractères par programmation dynamique de bas en haut. On pourra tester sur "AGTTC" et "AGCTC", sur "chien" et "niche" ou "sunday" et "saturday".

Solution :

```
import numpy as np

def de(a, b):
    S = np.zeros((len(a) + 1, len(b) + 1), dtype="int")
```

```

for i in range(len(a) + 1):
    sa = a[:i]
    for j in range(len(b) + 1):
        sb = b[:j]
        if i == 0 or j == 0:
            S[i, j] = max(i, j)
        elif sa[-1] == sb[-1]:
            S[i, j] = S[i - 1, j - 1]
        else:
            S[i, j] = 1 + min(S[i - 1, j], S[i - 1, j - 1], S[i, j - 1])
return S[len(a), len(b)]

```

C5. Écrire un code similaire en programmation dynamique avec memoïsation et comparer les résultats.

Solution :

```

import numpy as np

def mem_de(a, b, mem):
    if (a, b) in mem:
        return mem[(a, b)] # already computed !
    else:
        if len(a) == 0 or len(b) == 0:
            mem[(a, b)] = max(len(a), len(b))
        elif a[-1] == b[-1]:
            mem[(a, b)] = mem_de(a[:-1], b[:-1], mem)
        else:
            mem[(a, b)] = 1 + min(mem_de(a[:-1], b, mem), mem_de(a[:-1], b[:-1], mem), mem_de(a, b[:-1], mem))
    return mem[(a, b)]

```

D Plus longue sous-chaîne commune

La distance d'édition permet de mesurer le degré de similarité de deux chaînes. Elle ne donne pas d'information quant aux séquences maximales communes aux deux chaînes. Hors, en génétique par exemple, il peut s'avérer très important de savoir quels sont les points communs de deux génomes. Le problème de la plus longue sous-chaîne permet d'apporter une réponse à cette question.

■ **Définition 3 — Sous-chaîne.** On appelle sous-chaîne d'une chaîne de caractères $a = a_1 \dots a_n$ toute chaîne de caractères s extraite de a telle que $s = a_{i_1} \dots a_{i_k}$ où (i_1, i_2, \dots, i_k) est un sous-ensemble ordonné de $\llbracket 1, n \rrbracket$ tel que $i_1 < i_2 < \dots < i_k$. Les caractères de s n'apparaissent pas nécessairement de manière consécutive dans la chaîne a .

■ **Définition 4 — Plus longue sous-chaîne commune.** Soit $a = a_1 \dots a_q$ et $B = b_1 \dots b_p$ deux chaînes de caractères non vides. On appelle plus longue sous-chaîne commune à a et b toute sous-chaîne commune à a et b de longueur maximale.

Si l'une des chaînes a ou b est vide ou si a et b n'ont aucune sous-chaîne commune, la chaîne vide est alors l'unique plus longue sous-chaîne commune à a et b . Elle a pour longueur 0.

■ **Exemple 1 — Plus longue sous-chaîne commune.** Par exemple, les chaînes de caractères "AAA" et "TAA" sont les plus longues sous-chaînes communes aux chaînes de caractères "ATAGA" et "TAACA".

Le problème de la plus longue sous-chaîne commune entre a et b est noté $\mathcal{L}(a, b)$, son résultat est la longueur maximale d'une sous-chaîne commune à a et b .

D1. On considère les chaînes $a="AATGCG"$ et $b="TATTAGC"$? Donner les solutions de $\mathcal{L}(a, b)$.

Solution : ATGC et AAGC.

D2. Écrire une fonction de prototype `is_ss(ch, sch)` où les paramètres sont deux chaînes de caractères et qui renvoie True si `sch` est une sous-chaîne de `ch` et False sinon.

Solution :

```
def is_ss(ch, sch):
    if len(sch) == 0:
        return True # "" est sous-chaîne de toutes les chaînes
    j = 0
    for i in range(len(ch)):
        if ch[i] == sch[j]:
            j += 1 # un caractère commun
            if j == len(sch):
                return True
    return False
```

D3. Écrire une fonction de prototype `is_common_ss(a, b, sch)` où les paramètres sont des chaînes de caractères et qui renvoie True si `sch` est une sous-chaîne commune à a et b .

Solution :

```
def is_common_ss(a, b, sch):
    return is_ss(a, sch) and is_ss(b, sch)
```

D4. Formuler le problème $\mathcal{L}(a, b)$ récursivement afin de pouvoir justifier de sa sous-structure optimale.

Solution : Soit $S(i, j)$ la longueur de la plus longue sous-chaîne des chaînes extraites $a_1 a_2 \dots a_i$ et $b_1 b_2 \dots b_j$ des chaînes a et b . On a la récurrence :

$$\forall i \in \llbracket 0, p \rrbracket, \forall j \in \llbracket 0, q \rrbracket, S(i, j) = \begin{cases} 0 & \text{si } i = 0 \text{ ou } j = 0 \\ \max(S(i-1, j), S(i, j-1)) & \text{si } a_i \neq b_j \\ 1 + S(i-1, j-1) & \text{si } a_i = b_j \end{cases} \quad (5)$$

- D5. Écrire un code qui résout $\mathcal{L}(a, b)$ avec la programmation dynamique, de manière impérative, en complétant un tableau de bas en haut.

Solution :

```
import numpy as np

def dp_lss(a, b):
    S = np.zeros((len(a) + 1, len(b) + 1), dtype="int")
    for i in range(len(a) + 1):
        for j in range(len(b) + 1):
            if i == 0 or j == 0:
                S[i, j] = 0
            elif a[i - 1] == b[j - 1]:
                S[i, j] = 1 + S[i - 1, j - 1]
            else:
                S[i, j] = max(S[i - 1, j], S[i, j - 1])
    return S[len(a), len(b)]
```

- D6. Résoudre $\mathcal{L}(a, b)$ récursivement sans mémorisation.

Solution :

```
def rec_lss(a, b):
    if len(a) == 0 or len(b) == 0:
        return 0
    elif a[-1] == b[-1]:
        return 1 + rec_lss(a[:-1], b[:-1])
    else:
        return max(rec_lss(a[:-1], b), rec_lss(a, b[:-1]))
```

- D7. Résoudre $\mathcal{L}(a, b)$ récursivement avec mémorisation.

Solution :

```
def mem_lss(a, b, m):
    global c
    if (a, b) in m:
        return m[(a, b)]
    else:
        if len(a) == 0 or len(b) == 0:
            return 0
        elif a[-1] == b[-1]:
            c = c + 1
            m[(a, b)] = 1 + mem_lss(a[:-1], b[:-1], m)
            return m[(a, b)]
        else:
            c = c + 2
            m[(a, b)] = max(mem_lss(a[:-1], b, m), mem_lss(a, b[:-1], m))
            return m[(a, b)]
```

D8. Créer une fonction de type décorateur Python qui automatise la mémorisation d'une fonction réursive.

Solution :

```
def memoize(f):
    memo = {}

    def aux(*x):
        if x not in memo:
            memo[x] = f(*x)
        return memo[x]

    return aux

@memoize
def rec_lss(a, b):
    global c
    if len(a) == 0 or len(b) == 0:
        return 0
    elif a[-1] == b[-1]:
        c = c + 1
        return 1 + rec_lss(a[:-1], b[:-1])
    else:
        c = c + 2
        return max(rec_lss(a[:-1], b), rec_lss(a, b[:-1]))
```

E Algorithme de Floyd-Warshall

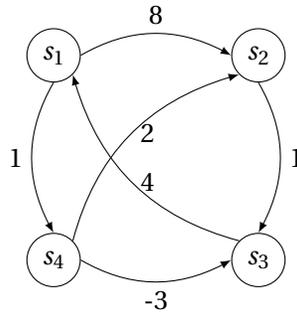
L'algorithme de Floyd-Warshall est l'application de la programmation dynamique à la recherche du plus court chemin entre deux sommets d'un graphe orienté et valué. Le plus court chemin n'est pas celui qui comporte le moins de sommets mais celui dont la somme des poids de chaque arc est la plus faible⁵. Les valuations peuvent être négatives mais on exclue tout circuit de poids strictement négatif.

(R) On ne considère que des graphes orientés et la raison est simple : si le graphe n'était pas orienté et possédait une pondération négative, cela signifierait qu'il existe un cycle de poids négatif : l'arête qui est pondérée négativement peut être parcourue dans les deux sens, c'est donc un cycle. Et donc, on ne pourrait pas justifier de l'existence d'un plus court chemin dans le graphe.

Soit un graphe orienté et pondéré $G = (S, A, w)$. G peut être modélisé par une matrice d'adjacence M

$$\forall i, j \in \llbracket 0, |S| - 1 \rrbracket, M = \begin{cases} w(i, j) & \text{si } (i, j) \in A \\ +\infty & \text{si } (i, j) \notin A \\ 0 & \text{si } i = j \end{cases} \quad (6)$$

5. Dans un réseau de télécommunications, il s'agit bien du chemin le plus court si les poids des arcs sont les débits en Gbits/s des liens.

FIGURE 1 – Exemple de graphe orienté et valué associé à M_{init} .

Un exemple de graphe associé à la matrice d'adjacence M_{init} est donné sur la figure 1 :

$$M_{\text{init}} = \begin{pmatrix} 0 & 8 & +\infty & 1 \\ +\infty & 0 & 1 & +\infty \\ 4 & +\infty & 0 & +\infty \\ +\infty & 2 & -3 & 0 \end{pmatrix} \quad (7)$$

Pour trouver le plus court chemin entre deux sommets, on essaye tous les chemins de toutes les longueurs possibles et on ne garde que les plus courts. Chaque étape p de l'algorithme de Floyd-Warshall est donc constitué d'un allongement **éventuel** du chemin par le sommet. À l'étape p , on associe une matrice M_p qui contient la longueur des chemins les plus courts d'un sommet à un autre passant par des sommets de l'ensemble $\{0, 1, 2, \dots, p-1\}$. On construit ainsi une suite de matrice finie $(M_p)_{p \in \llbracket 0, n \rrbracket}$ avec $M_0 = M$.

Supposons qu'on dispose de M_p . Considérons un chemin \mathcal{C} entre i et j dont la longueur est minimale et dont les sommets intermédiaires sont dans $\{0, 1, 2, \dots, p-1\}$, $p \leq n$. Pour un tel chemin :

- soit le chemin le plus court passe par $p-1$. Dans ce cas, \mathcal{C} est la réunion de deux chemins dont les sommets sont dans $\{1, 2, \dots, p-1\}$: celui de i à $p-1$ et celui de $p-1$ à j .
- soit \mathcal{C} ne passe pas par $p-1$.

Entre ces deux chemins, on choisira le chemin le plus court.

Disposer d'une formule de récurrence entre M_p et M_{p-1} permettrait de montrer que le problème du plus court chemin entre deux sommets d'un graphe orienté et valué est à sous-structure optimale. On pourrait alors utiliser la programmation dynamique pour résoudre le problème.

E1. Formuler le problème du plus court chemin entre deux sommets d'un graphe orienté afin de montrer que ce problème est à sous-structure optimale.

Solution :

$$\forall p \in \llbracket 1, n \rrbracket, \forall i, j \in \llbracket 0, n-1 \rrbracket, M_p(i, j) = \min(M_{p-1}(i, j), M_{p-1}(i, p-1) + M_{p-1}(p-1, j)) \quad (8)$$

Pour $p = 0$, on pose $M_0 = M_{\text{init}}$.

E2. Coder une fonction qui implémente l'algorithme de Floyd-Warshall et la programmation dynamique de bas en haut. Tester ce code sur l'exemple de la figure 1. On pourra utiliser un tableau numpy à trois dimensions.

Solution :

```
import numpy as np

def floyd_marshall(M):
    C = np.zeros((M.shape[0] + 1, M.shape[0], M.shape[0]))
    C[0, :, :] = M
    for p in range(1, M.shape[0]+1):
        for i in range(M.shape[0]):
            for j in range(M.shape[1]):
                C[p, i, j] = min(C[p-1, i, j], C[p-1, i, p-1] + C[p-1, p-1, j])
    return C[M.shape[0]]
```

Solution: [[0. 3. -2. 1.] [5. 0. 1. 6.] [4. 7. 0. 5.] [1. 2. -3. 0.]]

E3. Quelle est la complexité temporelle de cet algorithme?

Solution : La complexité temporelle de cet algorithme est en $O(n^3)$, si n est le nombre de sommets du graphe.

E4. Quelle est la complexité spatiale de cet algorithme? Pourrait-on l'améliorer? Comment?

Solution : La complexité spatiale de cet algorithme est en $O(n^3)$ si on procède ainsi. Par contre, on n'est pas obligé de conserver les matrices de toutes les étapes. Seule la dernière étape est utilisée dans le calcul suivant. On peut donc ainsi faire le calcul en place et atteindre une complexité spatiale en $O(n^2)$.

```
def in_place_floyd_marshall(M):
    for p in range(M.shape[0]):
        #print(p, M)
        for i in range(M.shape[0]):
            for j in range(M.shape[1]):
                M[i, j] = min(M[i, j], M[i, p] + M[p, j])
```

Comme on travaille en place directement sur M est que M est un type muable, on n'a pas besoin de renvoyer M à la fin de la fonction.